

CONTENTS

	Editorial: Biometrische Aspekte der Genomanalyse: Analyse von „Next Generation Sequencing“ Daten A. SCHERAG	1
1	Gezielte Mutagenese in der Maus R. KÜHN	5
2	Design der „Coronary ARtery Disease Genome-Wide Replication And Meta-Analysis“ (CARDIoGRAM) Studie M. PREUSS	9
3	Identification of quantitative traits in alcoholism E. DREWS, I. RÁCZ, A. DIAZ LACAVA, A. BARTH, A. BILKEI- GORZÓ, T. F. WIENKER, A. ZIMMER	19
4	Statistics for NGS E. VAN ZWET	29
5	Statistische Analyse von seltenen Varianten: Ein Überblick über Gruppierungsmethoden C. DERING, A. ZIEGLER, C. HEMMELMANN	31
6	Metabochip – a next generation genotyping platform S. PECHLIVANIS, A. SCHERAG, C. PÜTTNER, S. MOEBUS	47
7	Detection of Rare Variants in Disease associated Genes – Experiences of the GAW17 Workshop M. SCHOLZ, H. KIRSTEN	55
8	Componentwise likelihood-based boosting for SNP data: a test-based perspective H. BINDER, M. SCHUMACHER	57
9	SNPs und InDels: Möglichkeiten der Klassifikation J. ASSMUS, A.O. SCHMITT, J. KLEFFE, G.A. BROCKMANN	73

VI

10 Comparison of statistics of genetic association regarding the discrimination between causal variants and linked markers	89
J. LORENZO	
11 Coverage of Exon-Targeted Sequencing	91
S. FREYTAG, M. SOHNS, H. BICKEBÖLLER	
12 Funktionale Genomanalyse in Inzuchtlinien und Auszuchtpopulationen: Interaktion von Wachstum und Lebensdauer	99
U. RENNE, M. SAWITZLY, J. BRENMOEHL, M. BIDLINGMAIER, M. BIELOHUBY, M. LANGHAMMER, A. HÖFLICH	
13 Versuchsplanung bei Sequenzialtests für Erbmodelle	113
B. JÄGER, K.-E. BIEBLER	
14 Functional validation of sex specific genetic association in ENU induced malignant peripheral nerve tumors in intercross rat strains.	129
C. FISCHER, A. KINDLER-RÖHRBOM	