

Inhaltsverzeichnis

Inhaltsverzeichnis.....	I
Abbildungsverzeichnis.....	V
Tabellenverzeichnis.....	IX
Abkürzungsverzeichnis.....	XIII
Definitionen	XVII
1. Einleitung	1
2. Literatur.....	3
2.1. Allgemeine Angaben	3
2.1.1. Wildkarnivoren in Thüringen.....	3
2.1.2. Lebensraum Thüringen	4
2.2. Die Infektionskrankheit Staupe	5
2.2.1. Geschichte der Staupe	5
2.2.2. Ätiologie	6
2.2.3. Pathogenese	9
2.2.4. Verlaufsformen der Staupe: Klinik und Pathologie.....	11
2.2.5. Diagnostik	13
2.2.6. Epizootiologie.....	14
2.3. Zooanthroponoseerreger heimischer Wildkarnivoren	29
2.3.1. <i>Rabies lyssavirus</i>	29
2.3.2. <i>Mycobacterium bovis</i>	32

2.3.3.	<i>Trichinella</i> spp.	36
2.3.4.	<i>Baylisascaris procyonis</i>	38
2.3.5.	<i>Echinococcus multilocularis</i>	40
3.	Material und Methoden.....	45
3.1.	Zielstellungen und Strategien	45
3.2.	Untersuchungsmaterial.....	46
3.2.1.	Planung.....	46
3.2.2.	Tiere und Untersuchungsspektrum.....	48
3.3.	Sektion.....	48
3.3.1.	Probeneingang.....	48
3.3.2.	Probenentnahme, Schutzmaßnahmen und Desinfektion	48
3.4.	Untersuchungen zum Nachweis von Staupeviren.....	50
3.4.1.	Probenvorbereitung.....	50
3.4.2.	Nukleinsäureextraktion	51
3.4.3.	Nachweis viraler Ribonukleinsäure mittels Reverse Transkriptase-quantitative Polymerase-Kettenreaktion	51
3.4.4.	Auswertung der Reverse Transkriptase-quantitative Polymerase-Kettenreaktion	54
3.4.5.	Berechnung der Viruslast	55
3.5.	Untersuchungen zum Nachweis von Tollwutviren.....	56
3.5.1.	Antigennachweis im Direkten Immunfluoreszenztest.....	56
3.5.2.	Virusisolierung in der Zellkultur	57
3.6.	Untersuchungen zum Nachweis von Erregern des <i>Mycobacterium tuberculosis</i> -Komplex.....	59

3.6.1.	Nukleinsäureextraktion	59
3.6.2.	Nachweis bakterieller Desoxyribonukleinsäure mittels quantitative Polymerase-Kettenreaktion	60
3.7.	Untersuchungen zum Nachweis von <i>Trichinella</i> spp.	62
3.8.	Untersuchungen zum Nachweis von <i>Baylisascaris procyonis</i>	63
3.9.	Untersuchungen zum Nachweis von <i>Echinococcus multilocularis</i>	63
3.10.	Dokumentation und softwaregestützte Auswertung	64
4.	Ergebnisse	66
4.1.	Angaben zu den untersuchten Tieren	66
4.2.	<i>Canine morbillivirus</i> -Genomnachweise	70
4.2.1.	Verteilung im untersuchten Organspektrum	70
4.2.2.	Zeitliche Verteilung	74
4.2.3.	Räumliche Verteilung	77
4.2.4.	Bedeutung individueller Faktoren	88
4.3.	Ergebnisse der Untersuchungen auf Tollwut, <i>Trichinella</i> spp. und Erreger des <i>Mycobacterium tuberculosis</i> -Komplex	101
4.4.	<i>Baylisascaris procyonis</i> -Nachweise	102
4.5.	<i>Echinococcus multilocularis</i> -Nachweise	103
5.	Diskussion	104
5.1.	Grundsätzliche Angaben zu Methodik und Proben	104
5.2.	<i>Rabies lyssavirus</i>	107
5.3.	<i>Mycobacterium bovis</i>	109
5.4.	<i>Trichinella</i> spp.	110
5.5.	<i>Baylisascaris procyonis</i>	112

5.6. <i>Echinococcus multilocularis</i>	115
5.7. <i>Canine morbillivirus</i>	122
5.7.1. Verteilung im untersuchten Organspektrum	122
5.7.2. Epizootiologie.....	123
6. Zusammenfassung.....	134
7. Summary.....	136
8. Literaturverzeichnis	138
Gesetze, Verordnungen und Erlasse	138
Literatur	138
Anhang.....	XIX
Materialliste.....	XIX
Geräteliste	XXIX
Softwareliste	XXXIV
Medien und Puffer.....	XXXV
Abbildungen.....	XXXVII
Publikationen.....	XLII
Vorträge.....	XLII
Danksagung	XLIII
Selbstständigkeitserklärung.....	XLV